

ชื่อ-สกุล ผู้เสนอ สุภาภรณ์ ชีวะธนรักษ์

สาขาวิชา:

นาย  น.ส.  นาง  ดร.  อจ.  ผศ.  รศ.  ศจ.

กายภาพ  ทรัพย์-สิ่งแวดล้อม  
 ชีวภาพ  วิศวกรรม-เทคโนโลยี

ที่ทำงาน สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ คณะพลังงานและวัสดุ

เกษตร  ศึกษาศาสตร์

สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้า ธนบุรี กรุงเทพฯ โทร. 4625364

แพทย์  ทวีป

THE STUDY OF CELLULOLYTIC MICROORGANISMS ISOLATED FROM ANAEROBIC DIGESTER FED WITH PINEAPPLE WASTE.

Supaporn Cheevadhanarak and Morakot Tanticharoen  
Biotechnology Division, School of Energy and Materials  
King Mongkut's Institute of Technology Thonburi Campus, Bangkok.

Bacteria producing extracellular enzymes were selected and isolated from anaerobic digester of pineapple solid waste by growing them on mineral salt agar and using Whatman filter paper No.1 as carbon source. The mixed culture of M01 secrete cellulase, xylanase and  $\beta$ -glucosidase when grown on 1%  $\alpha$ -cellulose mineral salt liquid media with  $\text{NaNO}_3$  as nitrogen source. When xylan was used as carbon source, the xylanase but not cellulase was detected. We considered 2 separate groups of microorganism, the cellulose utilizing and the xylan-utilizing. The serial passage of M01 in cellulose media (54 Passage, M01 P 54 C) gave high yield of cellulase with little xylanase activity. The bacteria present in this culture failed to produce xylanase when grown on xylan media. The result indicated that the enrichment of xylan-utilizing microorganism was obtained by passing M01 in media which contained xylan. After 32 passage (M01 P 32 X), the culture was free from cellulose utilizing microbe leading to the inability to grow in  $\alpha$ -cellulose media. However, the highly passage on cellulose media could not eliminate the xylan-utilizing bacteria but significantly reduced the xylanase yield. The recovery of xylanase activity in crude enzyme has been made when culture enriched with xylan utilizer were grown together with cellulose utilizing bacteria in an  $\alpha$ -cellulose media. We suggest that, the product from cellulolysis of one group of microorganism can induce the growth of the second group thus leads to the production of xylanase.

การศึกษานี้ของเชื้อจุลินทรีย์ที่สามารถย่อยสลายเซลลูโลสที่แยกได้จากถังหมักก๊าซชีวภาพที่ใช้เปลือกส้มปุระค  
สุภาภรณ์ ชีวะธนรักษ์ และ มรกต ตันติเจริญ  
สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ คณะพลังงานและวัสดุ  
สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้า ธนบุรี

แบคทีเรียที่นำมาจากถังหมักก๊าซชีวภาพ และขึ้นบนกระดาษกรอง (Whatman No 1) เป็น  
แบคทีเรียผสม (Mixed culture, M01) เมื่อนำ M01 ไปเลี้ยงใน mineral salt media ที่มี 1%  
๑- เซลลูโลส เป็นแหล่งคาร์บอน และ  $\text{NaNO}_3$  เป็นแหล่งของไนโตรเจน พบว่า แบคทีเรียกลุ่มนี้สามารถ  
ผลิตเอนไซม์ เซลลูเลส ไซคลาเนส และ เบตา กลูโคซิเลสได้ เมื่อนำไปเลี้ยงบนไซลัน ปรากฏว่า  
สามารถให้เอนไซม์ไซลันเนสได้ แต่ไม่มีเซลลูเลสเกิดขึ้น M01 นี้จะประกอบไปด้วยกลุ่มของแบคทีเรีย 2  
กลุ่ม คือกลุ่มที่ใช้เซลลูโลส และกลุ่มที่ใช้ไซลัน เมื่อเลี้ยง M01 ผ่านไปบนอาหารที่มีแค่เซลลูโลส เป็น  
แหล่งของคาร์บอนอย่างเดียว ๗ ครั้ง (54 Passage, M01 P 54C) พบว่าความสามารถในการสร้าง  
เซลลูเลสจะยุติลง แต่ไซคลาเนสจะลดลงอย่างมาก เมื่อนำไปเลี้ยงบนไซลัน จะไม่ผลิตไซลันเนส  
เหมือนกับเชื้อ M01 ครั้งเดิมเคยผลิต จากผลการทดลองดังกล่าวเห็นว่า เมื่อเลี้ยง M01 บนเซลลูโลสหลาย ๆ  
ครั้ง จะขจัดกลุ่มที่ผลิตไซลันเนสออกจากรวมเหลืออยู่เพียงอย่างเดียว ในทำนองเดียวกัน M01 ที่เลี้ยงไปบนไซลัน  
หลาย ๆ ครั้ง (M01 P 32X) จะมีจำนวนเชื้อของกลุ่มที่ผลิตไซลันเนสมากขึ้น ทำให้ไซคลาเนสสูงมากกว่า  
เชื้อ M01 ครั้งเดิม เมื่อเลี้ยงบนไซลัน การเลี้ยง M01 ไปบนไซลันนานขึ้น จะขจัดเชื้อกลุ่มที่ขึ้นบนเซลลู  
โลสออกทั้งหมด ซึ่งมีกับคาร์บอน M01 ไปบนเซลลูโลส ซึ่งเพียงแต่จะลดจำนวนของกลุ่มที่สร้างไซลันเนส  
ลงเท่านั้น เป็นที่คาดว่า ในกลุ่มผสมทั้ง 2 นี้ เมื่อเลี้ยงบนเซลลูโลส กลุ่มที่ใช้เซลลูโลสได้ เมื่อใช้เซลลูโลส  
ไป จะให้สารบางอย่างที่ต้านทานให้ไซลันเนสโตเจริญเติบโต และผลิตไซลันเนสขึ้น เมื่อนำ M01 P 32X  
ไปผสมกับ M 01 P 54 C และเลี้ยงบนเซลลูโลส ปรากฏว่า จะให้เซลลูโลส และ ไซคลาเนส สูง  
เหมือนกับเชื้อดั้งเดิม M01 เกือบใหม่

การศึกษานิวเคลียสของเชื้อจุลินทรีย์ที่สามารถย่อยสลายเซลลูโลสที่แยกได้จากดินหมักก๊าซชีวภาพ  
 ชื่อเรื่อง (ไทย) ที่ใช้เมล็ดสับปะรด

ผลของเอ็นไซม์เซลลูเลส และไซแลนเนสต่อ substrate CMC, xylan  
 ตารางที่ 1 แสดงผลของเอ็นไซม์ต่อ substrate CMC, xylan ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส pH 6.8  
 เวลาที่ใช้ในการหา 1 ชั่วโมง เอ็นไซม์เป็น filtrate ได้จากการเลี้ยงเชื้อแบคทีเรียบน mineral  
 salt media ที่มี 1% α-cellulose เป็นแหล่งของคาร์บอน และ NaNO<sub>3</sub> เป็นแหล่งของไนโตรเจน

activity ของเอ็นไซม์ ต่อ substrate คิดเป็นไมโครกรัมของน้ำตาลที่ย่อยได้/มล. ของเอ็นไซม์					
M 01		M 01 P 54 C		M 01 P 32 X	
CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase
3144	2805	3176	743	0	0

ตารางที่ 2 แสดงผลของเอ็นไซม์ต่อ substrate CMC, xylan ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส  
 pH 6.8 เวลาที่ใช้ในการหา 1 ชั่วโมง เอ็นไซม์เป็น filtrate ที่ได้จากการเลี้ยงเชื้อบน mineral  
 salt media ที่มี 1% xylan เป็นแหล่งคาร์บอน และ NaNO<sub>3</sub> เป็นแหล่งไนโตรเจน

activity ของเอ็นไซม์ต่อ substrate คิดเป็นไมโครกรัมของน้ำตาลที่ย่อยได้/มล. ของเอ็นไซม์					
M 01		M 01 P 54 C		M 01 P 32 X	
CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase
0	1740	0	860	0	7300

ตารางที่ 3 แสดงผลของเอ็นไซม์ต่อ substrate CMC, xylan ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส pH 6.8  
 เวลาที่ใช้ในการหา 1 ชั่วโมง เอ็นไซม์เป็น filtrate ที่ได้จากการเลี้ยงเชื้อบน mineral  
 salt media ที่มี 1% α-cellulose เป็นแหล่งคาร์บอน และ NaNO<sub>3</sub> เป็นแหล่งไนโตรเจน

activity ของเอ็นไซม์ต่อ substrate คิดเป็นไมโครกรัมของน้ำตาลที่ย่อยได้/มล. ของเอ็นไซม์							
M 01		M 01 P 54 C		M 01 P 32 X		M01P54C+M01P32X	
CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase	CMC ase	Xylanase
3144	2805	3176	743	0	0	2820	3360

- M 01 = inoculum จาก mineral salt ที่มี filter paper เป็นแหล่งคาร์บอน
- M 01 P54C = inoculum เป็นเชื้อ M01 ที่ผ่านการเลี้ยงบน mineral salt ที่มี α-cellulose เป็นแหล่งคาร์บอน 54 Passage
- M 01 P32X = inoculum เป็นเชื้อ M01 ที่ผ่านการเลี้ยงบน mineral salt ที่มี xylan เป็นแหล่งคาร์บอน 32 Passage
- CMC = Carboxymethylcellulose

References

1. Berg, B., Hofston, B.V. & Pettersson, G. 1972. J. App. Bact. 35:204-214.
2. Cheevadhanarak, S. and Tanticharoen, M. 1983. Annual report of ASEAN Working Group on Food Waste Materials.
3. Workman, W.E. and Day, D.F. 1982. Applied and Environmental Microbiology 44: 1289 - 1295.